

11 de setembro de 2019

Enviar para [bit.603@gmail.com](mailto:bit.603@gmail.com)Assunto: **Exercício 4\_Nome Completo**Arquivo a ser anexado: **Exercício 4\_Nome Completo.docx**

---

**VISUALIZAR – HÉLICE ALFA**

---

No DsVisualizer 3.5 as ligações de hidrogênio são representadas com linhas pontilhadas verdes.

Para visualizar as ligações de hidrogênio:

- é necessário que os átomos estejam aparecendo (e não somente a estrutura secundária).
- structure → monitor → HBonds
- se não aparecerem as linhas tracejadas verdes: vá à visualização da hierarquia (obtida fazendo ctrl + H) clique com o mouse da direita em cima de HBond Monitor → clique em cima de Attributes of HBond Monitor → e no atributo *includes internal* → coloque **Yes**; e no atributo *intermolecular only* → coloque **No**

---

**Exercício 4 – HÉLICE ALFA**

---

1. Quais aminoácidos fazem parte da hélice 1? e da hélice 2? Compare as sequências de aminoácidos.
2. Quantos átomos fazem parte da hélice 1? e da hélice 2? Compare.
3. Descreva uma ligação de hidrogênio da hélice 1 (entre os aminoácidos Leu68 e Ser72) e da hélice 2 (entre os aminoácidos Leu496 e Ser500).
4. Compare as estruturas hélice 1 e hélice 2. São iguais ou diferentes (explique)?