

**Programa de Pós-graduação em Biotecnologia - UFSCar**

**BIOINFORMÁTICA I**

***Profa. Dra. Ignez Caracelli* (DF)**

***Prof. Dr. Julio Zukerman Schpector* (DQ)**

**Enviar ate 2ª. feira dia 15 de abril de 2019 para** [**bit.603@gmail.com**](mailto:bit.603@gmail.com)

***Assunto:* Exercício 9\_Nome Completo**

***Arquivo a ser anexado:* Exercício 9\_Nome Completo.docx**

**10 de abril de 2019.**

**Exercício 9 – Análise da Proteína Albumina (HSA) .**

**Consulte PDB e PDBSum.**

*Compare as moléculas:*

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| ***molécula*** | **2BX8** | **2BXA** | **2BXK** | **2BXI** |
| *fonte (organismo)* |  |  |  |  |
| *tipo de proteína* |  |  |  |  |
| *Ligante 1* |  |  |  |  |
| *Ligante 2* |  |  |  |  |
| *Ligante 3* |  |  |  |  |
| *Ligante 4* |  |  |  |  |
| *Aminoácido mais próximo do ligante 1* |  |  |  |  |
| *Aminoácido mais próximo do ligante 2* |  |  |  |  |
| *Aminoácido mais próximo do ligante 3* |  |  |  |  |
| *Aminoácido mais próximo do ligante 4* |  |  |  |  |
| *numero de aminoácidos presentes na estrutura* |  |  |  |  |
| *resolução* |  |  |  |  |